

# CURSO DE LA SOCIEDAD ARGENTINA DE INVESTIGACIONES CLINICAS (SAIC)

## Data mining de genomas y transcriptomas para el estudio de enfermedades crónicas



El curso tiene por objetivo brindar un marco teórico y práctico sobre las metodologías de análisis de datos en genómica funcional asociadas al estudio de patologías neurodegenerativas, metabólicas y neoplásicas. Se abordarán los aspectos fundamentales sobre el análisis de datos de oligo-microarrays y NGS con la finalidad de identificar vías de señalización y biomarcadores con valor pronóstico. Se utilizarán las principales bases de datos de genómica funcional (GEO, AE, TCGA, etc.) para el desarrollo de actividades prácticas.

**Lugar de realización:** Instituto de Investigaciones Bioquímicas Bahía Blanca. (INIBIBB) CONICET CCT-Bahía Blanca.

**Docente:** Dr. Martin Abba  
Facultad de Ciencias Médicas - UNLP.

**Coordinadora:** Dr. María Marta Facchinetti  
Inscripciones: [facchinm@criba.edu.ar](mailto:facchinm@criba.edu.ar)  
**CUPO LIMITADO**

**Jueves 5 de Noviembre:**  
9.00 - 12.00 hs. y 14.00 - 17 hs.  
**Viernes 6 de Noviembre:**  
9.00 - 12.00 hs. y 14.00 - 17 hs.

**Las clases consistirán en teóricos y prácticos por lo que se sugiere asistir con computadora personal.**

